

---

**This Page Is Inserted by IFW Operations  
and is not a part of the Official Record**

## **BEST AVAILABLE IMAGES**

**Defective images within this document are accurate representations of the original documents submitted by the applicant.**

**Defects in the images may include (but are not limited to):**

- **BLACK BORDERS**
  - **TEXT CUT OFF AT TOP, BOTTOM OR SIDES**
  - **FADED TEXT**
  - **ILLEGIBLE TEXT**
  - **SKEWED/SLANTED IMAGES**
  - **COLORLED PHOTOS**
  - **BLACK OR VERY BLACK AND WHITE DARK PHOTOS**
  - **GRAY SCALE DOCUMENTS**
- 

**IMAGES ARE BEST AVAILABLE COPY.**

**As rescanning documents *will not* correct images,  
please do not report the images to the  
Image Problems Mailbox.**

**THIS PAGE BLANK (USPTO)**

EUROPÄISCHE PATENTANMELDUNG

Anmeldenummer: 87112023.4

Int. Cl. 4: C12N 15/00, C12N 9/10, C12P 41/00

Anmeldetag: 19.08.87

Patentansprüche für folgenden Vertragsstaaten:  
 AT + ES.

Der (Die) Mikroorganismus (Mikroorganismen) ist  
 (sind) bei DSM unter der (den) Nummer(n) 40736  
 + 4112 hinterlegt worden.

Priorität: 23.08.86 DE 3628747  
 03.11.86 DE 3637307  
 16.12.86 DE 3642829  
 08.01.87 DE 3700313

Veröffentlichungstag der Anmeldung:  
 02.03.88 Patentblatt 88/09

Benannte Vertragsstaaten:  
 AT BE CH DE ES FR GB GR IT LI LU NL SE

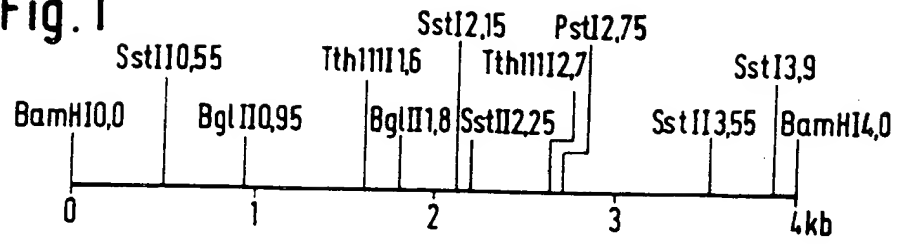
Anmelder: HOECHST AKTIENGESELLSCHAFT  
 Postfach 80 03 20  
 D-6230 Frankfurt am Main 80(DE)

Erfinder: Strauch, Eckhard  
 Rosenheide 2  
 D-4800 Bielefeld(DE)  
 Erfinder: Wohlleben, Wolfgang, Dr.  
 Menzelstrasse 1  
 D-4800 Bielefeld(DE)  
 Erfinder: Arnold, Walter  
 Am Gottesberg 25  
 D-4800 Bielefeld(DE)  
 Erfinder: Alljah, Renate  
 Kösterkamp 14  
 D-4800 Bielefeld(DE)  
 Erfinder: Pühler, Alfred, Prof. Dr.  
 Am Waldschlösschen 2  
 D-4800 Bielefeld(DE)  
 Erfinder: Wöhner, Gerhard, Dr.  
 Flörsheimer Strasse 27  
 D-6093 Flörsheim am Main(DE)  
 Erfinder: Marquardt, Rüdiger, Dr.  
 Günthersburgallee 69  
 D-6000 Frankfurt am Main(DE)  
 Erfinder: Grabley, Susanne, Dr.  
 Hölderlinstrasse 7  
 D-6240 Königstein/Taunus(DE)  
 Erfinder: Brauer, Dieter, Dr.  
 Berliner Strasse 14  
 D-6093 Flörsheim am Main(DE)  
 Erfinder: Bartsch, Klaus, Dr.  
 Memelstrasse 2  
 D-6233 Kelkheim (Taunus)(DE)

Resistenzgen gegen Phosphinothricin und seine Verwendung.

Durch Selektion von Streptomyces viridochromogenes DSM 4112 gegen Phosphinothricyl-alanyl-alanin (PTT) erhält man PTT-resistente Selektanten. Aus der GesamtdNA dieser Selektanten erhält man durch Schneiden mit Bam HI, Klonieren eines 4,0 kb großen Fragments und Selektion auf PTT-Resistenz das DNA-Fragment, welches das Phosphinothricin (PTC)-Resistenzgen trägt. Dieses ist zur Herstellung PTC-resistenter Pflanzen, aber auch als Resistenz-Marker sowie zur selektiven N-Acetylierung der L-Form von racemischem PTC geeignet.

Fig. 1



## Resistenzgen gegen Phosphinothricin und seine Verwendung

Phosphinothricin (PTC, 2-Amino-4-methylphosphinobuttersäure) ist ein Glutaminsynthetase-Inhibitor. PTC ist ein "Baustein" des Antibiotikums Phosphinothricyl-alanyl-alanin. Dieses Tripeptid (PTT) ist aktiv gegen Gram-positive und Gram-negative Bakterien und auch gegen den Pilz *Botrytis cinerea* (Bayer et al., Helv. Chim. Acta 55 (1972) 224). PTT wird von dem Stamm *Streptomyces viridochromogenes* Tü 494 (DSM 40736, DSM 4112) produziert.

Aus der Deutschen Patentschrift 2 717 440 ist es bekannt, daß PTC als Totalherbizid wirkt. In der veröffentlichten PCT-Anmeldung WO 86/02097 sind Pflanzen beschrieben, deren Resistenz gegen PTC darauf zurückzuführen ist, daß sie Glutaminsynthetase überproduzieren. Solche Überproduktionen, beispielsweise infolge einer Genamplifikation, bergen jedoch die Gefahr der Instabilität in sich. Im Falle einer solchen Instabilität ginge also die Überproduktion an Glutaminsynthetase zurück und die kompetitive Inhibitorwirkung des PTC käme wieder zum Zuge.

Die Erfindung, die in den Patentansprüchen definiert ist, bezieht sich demgegenüber auf ein Resistenzgen gegen PTC und seine Verwendung zur Herstellung PTC-resistenter Pflanzen. Darüber hinaus kann dieses Gen auch als Resistenz-Marker Verwendung finden. Weiterhin eignet sich das Gen zur selektiven N-Acetylierung der L-Form von racemischem PTC.

Das erfindungsgemäße Resistenzgen gegen PTC ist erhältlich aus der Gesamt-DNA von auf PTT-Resistenz selektiertem *Streptomyces viridochromogenes* DSM 4112 durch Schneiden mit *Bam*HI, Klonieren eines 4,0 kb großen Fragments und Selektion auf PTT-Resistenz. Die Restriktionskarte (Figur 1) charakterisiert dieses 4,0 kb-Fragment näher.

Durch Klonieren von Teilbereichen dieses 4 kb-Fragmentes wurde die Lage des Codierbereichs näher eingegrenzt. Hierbei zeigte sich, daß das Resistenzgen auf dem 1,6 kb *Sst*II-*Sst*I-Fragment (Positionen 0,55 bis 2,15 in Fig. 1) liegt. Durch Verdauung mit *Bgl*II wird das 0,8 kb große Fragment gewonnen, das nach Einbau in ein Plasmid und Transformation von *S. lividans* PTT-Resistenz vermittelt. Diese Resistenz ist durch die N-Acetylierung von PCT bedingt.

Die Sequenzierung nach Maxam und Gilbert des 0,8 kb-Fragments ergibt die DNA-Sequenz I (Anhang). Aus den offenen Leserahmen dieser Sequenz läßt sich die Lage des Resistenzgens ermitteln (ab Position 258). Das Ende des Gens liegt beim vorletzten der wiedergegebenen Nucleotide (Position 806), d. h. das letzte Nucleotid (Position 807), ist der Beginn des Stop-Codons.

In der DNA-Sequenz I ist die "Shine-Dalgarno-Sequenz" durch Unterstreichen hervorgehoben, ebenso das als Startcodon wirkende GTG. Der maßgebliche Leserahmen ist also in der obersten Zeile ausgedruckt.

Die DNA-Sequenz II zeigt die Restriktionsschnittstellen innerhalb des sequenzierten Gens. Enzyme, die die Sequenz mehr als sechsmal schneiden, sind nicht angegeben.

Das Antibiotikum PTT wird von Bakterien aufgenommen und zu PTC abgebaut. Dieses inhibiert bei Bakterien ebenfalls die Glutaminsynthetase, so daß die Bakterien an Glutaminmangel sterben. PTT-produzierende Bakterien sollten daher einen Mechanismus besitzen, der sie vor der Wirkung des PTT schützt, also entweder die Wiederaufnahme des produzierten PTT verhindert oder eine Modifikation des Abbauproduktes PTC ermöglicht. Überraschenderweise ist der PTT-Produzent *S. viridochromogenes* DSM 4112 aber gegen sein eigenes Antibiotikum sensitiv. Unerwarteterweise gelang es aber, durch Selektion auf PTT-Resistenz mit der überraschend hohen Rate von etwa  $10^{-5}$  Selektanten zu finden, die gegen PTT resistent sind und auch das Untergrundwachstum der benachbarten Kolonien unterdrücken.

Aus der DNA dieser Selektanten wurde eine Genbank angelegt, indem die DNA isoliert, mit *Bam*HI gespalten und in einen Streptomycetenvektor ligiert wurde. Das Ligationsgemisch wurde in den handelsüblichen Stamm *S. lividans* TK 23 transformiert, wobei je 1 µg Ligationsgemisch etwa 5000 bis 10000 Transformanten mit einem Insert von etwa 1 bis 5 kb erhalten wurden. Unter den Transformanten finden sich PTT-resistente *S. lividans*-Stämme. Durch Isolierung des Plasmids und Retransformation in *S. lividans* konnte gezeigt werden, daß die Resistenz plasmidcodiert ist. Das für die Resistenz verantwortliche Gen liegt auf einem 4 kb-*Bam*HI-Fragment (Figur 1). Der Codierbereich ist auf dem 0,8 kb *Bgl*III-Fragment lokalisiert. Das *Bam*HI-Fragment enthält keine Schnittstellen für die Enzyme *Cla*I, *Eco*RI, *Eco*RV, *Hind*III, *Hpa*I, *Kpn*I, *Pvu*I, *Pvu*II und *Xho*I.

Der Vergleich mit der Restriktionskarte eines nicht näher charakterisierten Resistenzgens aus *S. hygroscopicus* FERM BP-130/ATCC 21705 (Europäische Patentanmeldung mit der Veröffentlichungsnummer 0 173 327, Figur 7) zeigt, daß das erfindungsgemäße Resistenzgen von dem bekannten Gen verschieden ist, welches auf der Suche nach den PTT-Biosynthesegenen gefunden wurde.

Durch Inkubation von Zellextrakten von S. viridochromogenes DSM 4112 und S. lividans TK 23 einerseits und der PTT-resistenten S. viridochromogenes-Selektante und einer plasmidtragenden S. lividans-Transformant andererseits mit PTC und Acetyl-Coenzym A konnte gezeigt werden, daß die letztgenannten Zellen eine acetylierende Aktivität zeigen. Chromatographische Befunde zeigen, daß die

Acetylierung an der Aminogruppe erfolgt.  
Da auch in E. coli eine PTT-Resistenz festgestellt werden konnte und der Resistenzmechanismus somit auch in Gramnegativen Bakterien funktioniert, kann eine Resistenz auf Grund von Transportphänomenen ausgeschlossen werden. Das erfindungsgemäße Resistenzgen kann somit nach Kopplung an pflanzliche Promotoren mit geeigneten Vektoren in Pflanzen transformiert und es können so PTC-resistente Pflanzen hergestellt werden.

Die N-Acetylierung von PTC kann auch zur Racemattrennung von synthetischem D,L-PTC genutzt werden, da selektiv nur die L-Form acetyliert wird.

Die Erfindung betrifft somit auch die Verwendung des Resistenzgens zur selektiven N-Acetylierung der L-Form von racemischem PTC.

Die von dem erfindungsgemäßen Resistenzgen kodierte PTC-Acetyltransferase kann also dazu benutzt werden, racemisches PTC, wie es beispielsweise nach der deutschen Patentschrift 2 717 440 erhältlich ist, in die optischen Antipoden zu trennen, indem das Racemat der acetylierenden Wirkung dieses Enzyms ausgesetzt wird, wobei selektiv die L-Form angegriffen wird, während die D-Form unverändert bleibt. Das so erhaltene Gemisch kann dann aufgrund seiner unterschiedlichen Eigenschaften in an sich bekannter Weise aufgetrennt werden.

Es ist bekannt, N-Acyl-D,L-Aminosäuren mit gegebenenfalls trägerfixierten Acylasen in Kontakt zu bringen, wobei selektiv die L-Aminosäure freigesetzt wird, die aus dem Gemisch mit der N-Acyl-D-Aminosäure nach Ansäuern mit nicht wassermischbaren Lösemitteln extrahiert werden kann (Britische Patentschrift 1 369 462). Eine entsprechende Auftrennung von N-Acyl-D,L-PTC ist beispielsweise aus der Deutschen Offenlegungsschrift 2 939 269 oder der US-Patentschrift 4 226 941 bekannt.

Das erfindungsgemäß zurückbleibende D-PCT kann in bekannter Weise racemisiert werden (Europäische Patentanmeldung mit der Veröffentlichungsnummer (EP-A) 0 137 371, Beispiel 8), und dann in den Prozeß zurückgeführt werden.

Die Isolierung des Enzyms, worunter hier und im folgenden auch immer der enzymatisch wirksame Teil verstanden werden soll, ist möglich, aber nicht erforderlich. Falls das Enzym isoliert wird, kann es in freier oder trägerfixierter Form eingesetzt werden. Geeignete Träger sind beispielsweise in der EP-A 0 141 223 beschrieben. Zweckmäßig wird jedoch das Enzym nicht isoliert, sondern man setzt beliebige PTC-resistente Zellen ein, die das erfindungsgemäße Enzym exprimieren. So kann zweckmäßig die PTT-resistente Selektante von S. viridochromogenes DSM 4112 eingesetzt werden. Vorteilhaft kann auch eine beliebige, mit dem erfindungsgemäßen Gen transformierte Zelle zum Einsatz gelangen, die in der Lage ist, die PTC-Acetyltransferase zu exprimieren. Das erfindungsgemäße Gen, worunter hier auch aktive Teile desselben verstanden werden, kann hierbei in plasmidintegrierter Form in die Wirtszelle eingebracht werden oder mit anderen üblichen gentechnischen Methoden, beispielsweise durch Transfektion. Zweckmäßig ist beispielsweise der Einbau in ein E. coli-Expressionsplasmid und Transformation von E. coli mit einem solchen Plasmid, beispielsweise nach den aus EP-A 0 163 249 und 0 171 024 bekannten Verfahren.

Zur erfindungsgemäßen N-Acetylierung von L-PTC im Racemat können die Zellen, die die PTC-Acetyltransferase exprimieren, in freier oder fixierter Form eingesetzt werden, wobei die üblichen Fixierungsmethoden Anwendung finden (z.B. Deutsche Offenlegungsschrift 3 237 341 und darin zitiert Literatur).

Die erfindungsgemäße enzymatische Acetylierung von L-PTC erfolgt in der für enzymatische Umsetzungen üblichen Weise, wobei sich die Verfahrensbedingungen an den Gegebenheiten des eingesetzten Organismus orientieren. Grundsätzlich kommen hierfür dieselben Methoden wie für die vorstehend genannten selektiven Entacetylierungsverfahren in Betracht.

In den folgenden Beispielen wird die Erfindung näher erläutert. Teile und Prozentangaben beziehen sich auf das Gewicht, sofern keine anderen Angaben gemacht werden.

#### Beispiel 1: PTT-resistente Selektanten

Der Stamm S. viridochromogenes DSM 4112 wurde auf Minimal-Medium (Hopwood et al., Genetic Manipulation of Streptomyces, A Laboratory Manual, The John Innes Foundation, Norwich, England (1985), S. 233) angezogen und mit PTC in steigenden Konzentrationen versetzt. Bei einer Konzentration von 100 µg/ml wurde pro etwa 10<sup>5</sup> Kolonien eine resistente Kolonie gefunden.

## Beispiel 2: Herstellung des Vektors

Das Plasmid pSVH1 (Europäische Patentschrift 0 070 522) wird mit BglIII geschnitten, das etwa 7,1 kb große Fragment isoliert und mit dem 1,1 kb BclI-Fragment mit der Thiostrepton-Resistenz (Europäische Patentanmeldung mit der Veröffentlichungsnummer 0 158 201) ligiert. Man erhält das 8,15 kb große Plasmid pEB2 (Figur 2).

## Beispiel 3: Isolierung des Resistenzgens

Aus den Selektanten gemäß Beispiel 1 isoliert man die Gesamt-DNA und spaltet sie mit BamHI. Das Plasmid pEB2 wird ebenfalls mit BamHI geöffnet, die beiden Ansätze vereinigt und ligiert. Das Ligationsgemisch wird nach S. lividans TK 23 (erhältlich bei der John Innes Foundation) transformiert, wobei je 1 µg Ligationsgemisch 5000 bis 10000 Transformanten mit einem Insert von etwa 1 - 5 kb erhalten werden. Selektion auf PTT-Resistenz ergibt 2 resistente S. lividans-Kolonien. Aus diesen wird das aufgenommene Plasmid isoliert und mit BamHI geschnitten. Man findet ein 4 kb BamHI-Fragment, welches das für die Resistenz verantwortliche Gen trägt. Dieses Plasmid erhielt die Bezeichnung pPRI (Figur 3).

Durch Retransformation in S. lividans TK 23 kann gezeigt werden, daß die PTT-Resistenz plasmidcodiert ist, da die Transformanten auf Minimalmedium wachsen, das 100 µg/ml PTT enthält.

## Beispiel 4: Nachweis der Inaktivierung von PTC durch N-Acetylierung

Zum Nachweis der acetylierenden Aktivität des klonierten Fragments wurden folgende Stämme untersucht: S. viridochromogenes DSM 40736, S. viridochromogenes (PTT-resistente Mutante), S. lividans TK23 und S. lividans TK 23 (pPRI).

Dazu werden die Stämme in Lysemedium A (Europäische Patentanmeldung mit der Veröffentlichungsnummer 0 158 872, S. 6) angeimpft und 2 Tage bei 30°C im Rundschüttler inkubiert. Nach der Ernte wird 1 mg Mycel in einem geeigneten Puffer (z. B. RS-buffer: C. J. Thompson et al., J. Bacteriol. 151 (1982), 678-685) mit Ultraschall aufgeschlossen. Ein typisches Experiment zur Messung des PTC-Abbaus verläuft folgendermaßen:

250 µl Rohextrakt werden mit 100 µl PTC-Lösung (250 µg/ml) und 50 µl Acetyl-CoA (4 mg/ml) versetzt und 2 Stunden bei 30°C inkubiert. Die dann noch vorhandenen PTC-Mengen werden durch HPLC gemessen. Dabei ergibt sich folgendes Ergebnis:

| Stamm | nicht umgesetztes PTC | eingesetztes PTC |
|-------|-----------------------|------------------|
|-------|-----------------------|------------------|

|                         |      |
|-------------------------|------|
| <u>S. lividans</u> TK23 | 100% |
|-------------------------|------|

|  |     |
|--|-----|
| <u>S. viridochromogenes</u><br>(DSM 40736) | 72% |
|--|-----|

|   |    |
|---|----|
| <u>S. viridochromogenes</u><br>Selektante | 7% |
|---|----|

|                                |     |
|--------------------------------|-----|
| <u>S. lividans</u> TK23 (pPRI) | 31% |
|--------------------------------|-----|

0 257 542

Daß es sich um eine N-Acetylierung des PTC handelt, kann durch Vergleich mit Referenzsubstanzen in der Dünnschichtchromatographie nachgewiesen werden (keine Anfärbung durch Ninhydrin).

5

10

15

20

25

30

35

40

45

50

55



GlnThrProGlnGluTrpIleAspAspLeuGluArgLeuGlnAspArgTyrProTrpLeuValAlaGluValGlu  
AlaAspSerAlaGlyValAspArgArgProGlyAlaProProGlyProLeuProLeuAlaArgArgArgGlyGly  
ArgArgLeuArgArgSerGlySerThrThrTrpSerAlaSerArgThrAlaThrProGlySerSerProArgTrp  
CGCAGACTCCGCAGGAGTGGATCGACGACCTGGAGCGCCTCCAGGACCGCTACCCCTG6CTCGTCCGAGGTGG 450  
GCGTCTGA6GCGTCTCCTACCTAGCTGCTGGACCTCGCGAGGTCCTG6G6ATG6G6ACCGAGCAGCG6CTCCACC  
AlaSerGluAlaProThrSerArgArgGlyProAlaGlyGlyProGlySerGlyArgAlaArgArgArgProPro  
LeuSerArgLeuLeuProAspValValGlnLeuAlaGluLeuValAlaValGlyProGluAspGlyLeuHisLeu  
CysValGlyCysS rHisIleSerSerArgSerArgArgTrpSerArgAM GlyGlnSerThrAlaSerThrSer

## DNA-Sequenz I (Fortsetzung)

GlyValValAlaGlyIleAlaTyrAlaGlyProTrpLysAlaArgAsnAlaTyrAspTrpThrValGluSerThr  
 GlyArgArgArgArgHisArgLeuArgArgProLeuGluGlyProGlnArgLeuArgLeuAspArgArgValAsp  
 ArgAlaSerSerProAlaSerProThrProAlaProGlyArgProAlaThrProThrThrGlyProSerSerArg  
 AGGGCGTCGTCGCCGGCATCGCCTACGCCGGCCCTGGAAAGGCCCGCAACGCCTACGACTGGACCGTCGAGTCGA 525  
 TCCCGCAGCAGCGGCCGTAGCGGATGCGGCCGGGGACCTTCCGGGCGTTGCGGATGCTGACCTGGCAGCTCAGCT  
 ProArgArgArgArgCysArgArgArgArgGlyArgSerProGlyCysArgArgArgSerSerArgArgThrSer  
 AlaAspAspGlyAlaAspGlyValGlyAlaGlyProLeuGlyAlaValGlyValValProGlyAspLeuArgArg  
 ProThrThrAlaProMetAlaAM AlaProGlyGlnPheAlaArgLeuAlaAM SerGlnValThrSerAspVal

ValTyrValSerHisArgHisGlnArgLeuGlyLeuGlySerThrLeuTyrThrHisLeuLeuLysSerMetGlu  
 GlyValArgLeuProProAlaProAlaAlaArgThrGlyLeuHisProLeuHisProProAlaGluValHisGly  
 ArgCysThrSerProThrGlyThrSerGlySerAspTrpAlaProProSerThrProThrCysOP SerProTrp  
 CGGTGTACGTCTCCACCGGGCACCAGCGGGCTCGGACTGGGCTCCACCCTCTACACCCACCTGCTGAAGTCCATGG 500  
 GCCACATGCAGAGGGGTGGCGGTGGTCGCCGAGCCTGACCCGAGGTGGGAGATGTGGGTGGACGACTTCAGGTACC  
 ProThrArgArgGlyGlyAlaGlyAlaAlaArgValProSerTrpGlyArgCysGlyGlyAlaSerThrTrpPro  
 HisValAspGlyValProValLeuProGluSerGlnAlaGlyGlyGluValGlyValGlnGlnLeuGlyHisLeu  
 ThrTyrThrGluTrpArgCysTrpArgSerProSerProGluValArgAM ValTrpArgSerPheAspMetSer

AlaGlnGlyPheLysSerValValAlaValIleGlyLeuProAsnAspProSerValArgLeuHisGluAlaLeu  
 GlyProGlyLeuGlnGluArgGlyArgArgHisArgThrAlaGlnArgProGluArgAlaProAlaArgGlyAla  
 ArgProArgAlaSerArgAlaTrpSerProSerSerAspCysProThrThrArgAlaCysAlaCysThrArgArg  
 AGGCCCAAGGCTTCAAGAAGCGTGGTCGCCGTCATCGGACTGCCCAACGACCCGAGCGTGGCGCTGCACGAGGCGC 575  
 TCCGGGTCCCGAAGTTCTCGCACCAGCGGCGAGTAGCCTGACGGGTTGCTGGGCTCGCACGCGGACGTGCTCCGCG  
 ProGlyProSerOP SerArgProArgArgOP ArgValAlaTrpArgGlySerArgAlaGlyAlaArgPr Ala  
 GlyLeuAlaGluLeuAlaHisAspGlyAspAspSerGlnGlyValValArgAlaHisAlaGlnValLeuArgGlu  
 AlaTrpProLysLeuLeuThrThrAlaThrMetProSerGlyLeuSerGlyLeuThrArgArgCysSerAlaSer

GlyTyrThrAlaArgGlyThrLeuArgAlaAlaGlyTyrLysHisGlyGlyTrpHisAspValGlyPheTrpGln  
 ArgIleHisArgAlaArgAspAlaAlaGlySerArgLeuGlnAlaArgGlyLeuAlaArgArgGlyValLeuAla  
 SerAspThrProArgAlaGlyArgCysGlyGlnProAlaThrSerThrGlyAlaGlyThrThrTrpGlySerGly  
 TCGGATACACCGCGCGCGGGACGCTGCGGGCAAGCGGCTACAAGCACGGGGGCTGGCAGGACGTGGGGTTCTGGC 750  
 AGCCTATGTGGCGCGCGCCCTGCGACGCGCGTCCGGCGATGTTCTGCCCCCGACCGTGCTGACCCCAAGACCG  
 ArgIleCysArgAlaArgSerAlaAlaProLeuArgSerCysAlaArgProSerAlaArgArgProThrArgAla  
 SerValGlyArgAlaProArgGlnProCysGlyAlaValLeuValProAlaProValValHisProGluProLeu  
 ProTyrValAlaArgProValSerArgAlaAlaProAM LeuCysProProGlnCysSerThrProAsnGlnCys

ArgAspPheGluLeuProAlaProProArgProValArgProValThrGlnIle  
 AlaArgLeuArgAlaAlaGlyProAlaProProArgProAlaArgHisThrAsp  
 SerAlaThrSerSerCysArgProArgProAlaProSerGlyProSerHisArgSer  
 AGCGCGACTTCGAGCTGCCGGCCCCGCCCGCCCCGTCGCGCCCGTCACACAGATCT 807  
 TCGCGCTGAAGCTCGACGGCGGGGGCGGGGGCAAGCCGGGCGAGTGTGTCTAGA  
 AlaArgSerArgAlaAlaProGlyAlaGlyGlyArgGlyAlaArgOP ValSerArg  
 AlaValGluLeuGlnArgGlyArgGlyAlaGlyAspProGlyAspCysLeuAsp  
 ArgSerLysSerSerGlyAlaGlyGlyArgGlyThrArgGlyThrValCysIle

## DNA-Sequenz II

5 1 AGATCTGGAGCGACGTCCTG6666CCG6TCCG6TGCTGCCC6666ACGACTTCTTCTCCC  
TCTAGACCTC6CTGCA6GACCC666CCAG6CCACGACG666CCCTGCTGAAGAAG666  
1 BGLII XHOII, 2 DPNI SAU3A, 5 GSUI, 12 AATII ACYI, 13 MAEII  
10 17 APYI ECORII, 26 RSRII, 27 AVAII, 35 BBVI, 39 AVAI NCII  
SMAI, 40 NCII, 52 MBOII, 59 MNLI,

51 TC66CG6CACCTCCATCTC66CGTTG6CG6GT66TCTCG6CATCC6CAAG6AACTC66CG  
AGCC66CGT66AGGTAG6CCGCAACGCCCACCAAG6CGC6TAG6CGTTCTT6AGCC6G  
15 66 HGICI, 70 MNLI, 97 FNUDII, 100 SFANI, 101 FOKI,

121 TGCCACTCC66CTCGCC6TGATCTTC6AGACGCCGTCCCT66AAGCG6T66CCGAATCC6  
AC6GT6A6G6CCGAGCG6CACTAGAA6CTCT6C66CAG66GACCTTCGCCACC66CTTAG6C  
20 122 BGLI, 140 DPNI SAU3A, 142 MBOII, 149 ACYI HGAI TTH111I,  
158 APYI ECORII, 169 CFRI 6DIII, 174 HINFI, 180 RSAI,

181 TACTCCGCGAACTGAA666GAC6TAGTAAAGAG6T6CCCGCCACCC6CTTTCGCA6AACA  
ATGAG6CGCTT6ACTTCCCTG6CATCTTCTCCACG66CG6T666CGAA6CGTCTT6T  
25 186 FNUDII, 201 MAEII, 211 MNLI, 213 HGICI, 214 SDUI,

241 CC6AAG6AAGACCACAC6T6AG6CCAGAACGACGCCCG6T6AGATCC6TCCCGCCACC6  
66CTTCTTCT66T6T6CACTC666TCTT6CT6C666CCA6CTCTA66CAG66CG6T66C  
30 247 MBOII, 254 AFLIII, 255 PMACI, 256 MAEII, 260 HGIJII SDUI  
, 271 ACYI HGAI, 275 NCII, 283 XHOII, 284 BINI DPNI SAU3A,

301 CCGCCGACATG6CG6CG6TCT6C6ACATC6TCAATCACTACATC6A6AC6A6CAC66TCA  
66CG6CTGTACC6CCG6CAGACGCT6TAGCAGTTAGT6AT6T6A6CTCT6CTCGT6CCA6T  
35 303 BGLI, 308 NLAI, 324 TTH111I, 350 HGIAI SDUI, 357 HINCI  
I,

40 361 ACTTCCGTAC66AGCC6CAGACTCC6CAG6AGT6GATC6AC6ACCT66AGCGCCTCCA66  
T6AAG6CATG6CTC66CGTCT6AG6CGTCTC6ACCTA6CT6CT66ACCTC6C6GA66TCC  
367 RSAI, 380 HINFI, 394 BINI, 395 DPNI SAU3A, 404 APYI ECOR  
II, 405 GSUI, 409 HAEII, 413 MNLI, 414 GSUI, 416 APYI ECORII  
45 419 AVAII,

421 ACCGCTACCCCT66CTC6TCGCC6AG6T66AG66CGT6TCGCC66CATCGCCTAC6CCG  
TG6CGAT6666ACC6AGCA6CG6CTCCACCTCCCGCA6CAGCG6CCGTAGC66AT6C66C  
50 430 APYI ECORII, 444 MNLI, 450 MNLI, 453 ACYI, 454 HGAI, 462  
NAEI, 466 SFANI, 477 NAEI,

481 G6CCCT66AAG6CCCGCAAC6CCTACGACT66ACC6T6GA6TC6AC66T6TAC6TCTCCC  
CG666ACCTTCC666CGTT6CG6AT6CTGACCT66CAGCTCAGCTGCCACAT6CA6A666  
55 484 APYI ECORII, 511 AVAII, 519 HINFI, 521 ACCI HINCII SALI,  
530 RSAI, 532 MAEII,

## DNA-Sequenz II (Fortsetzung)

5

10

15

20

25

30

35

541 ACCGGCACCAGCGGCTCGGACTG6GCTCCACCCTCTACACCCACCTGCTGAA6TCC;  
 TGGCCGTGGTCGCCGAGCCTGACCCGAGGTG6GAGATGTG6GTG6ACGACTTCA6GT;  
 544 HGICI, 549 NSPBII, 563 HGIJII SDUI, 572 MNLI, 578 TAQII,  
 583 BSPMI, 595 NCOI STYI, 596 NLAIII, 600 MNLI,  
 601 AGGCCCAGGGCTTCAAGAGCGTGGTCGCCGTCATCGGACTGCCCAACGACCCGAGCGTGC  
 TCCGGGTCCCGAAGTTCTCGCACCAGCGGCAGTAGCCTGACGGGTGCTGGGCTCGCACG  
 605 APYI ECORII, 650 AVAI,  
 661 GCCTGCACGAGGCGCTCGGATACACCGCGCGCGGGACGCTGCGGGCAGCCGGCTACAAGC  
 CGGACGTGCTCCGCGAGCCTATGTGGCGCGCGCCCTGCGACGCCCGTGGCCGATGTTCC  
 669 MNLI, 671 HAEII, 686 FNUDII, 687 BSSHII, 688 FNUDII, 690  
 FNUDII, 695 HGAI, 698 BBVI, 705 BBVI, 706 NAEI, 716 TTHIII  
 I,  
 721 AC6666GCTG6CACGACGTG6G6TTCTG6GACGCGGACTTCGAGCTGCCG6CCCCGCCCC  
 TGCCCCCGACCCTGCTGACCCCCAAGACCCTGCGGCTGAA6CTCGACG6CCG6G6G6G6G6  
 732 DRAIII, 736 MAEII, 749 BBVI, 753 FNUDII, 763 ALUI, 764 B  
 BVI, 767 NAEI,  
 781 GCCCCGTCCG6CCCGTCAACACAGATCT  
 CGGGGACAGGCCG6GCA6TGTGTCTAGA  
 795 MAEIII, 802 BGLII XHOII, 803 DPNI SAU3A,

## Ansprüche

40

45

50

1. Resistenzgen gegen Phosphinothricin (PTC), erhältlich aus der Gesamt-DNA von auf Phosphinothricyl-alanyl-alanin (PTT)-Resistenz selektiertem Streptomyces viridochromogenes DSM 4112 durch Schneiden mit BamHI, Klonieren eines 4,0 kb großen Fragments und Selektion auf PTT-Resistenz.
2. Gen nach Anspruch 1, gekennzeichnet durch die Restriktionskarte gemäß Figur 1.
3. Gen nach Anspruch 1 und 2, gekennzeichnet durch die DNA-Sequenz I (Anhang), Position 258-806.
4. Verwendung des Gens nach Anspruch 1 bis 3 zur Herstellung PTC-resistenter Pflanzen.
5. Verwendung des Gens nach Anspruch 1 bis 3 als PTT-Resistenz-Marker in Bakterien.
6. Verwendung des Gens nach Anspruch 1 bis 3 als PTC-Resistenzmarker in Pflanzenzellen.
7. Verwendung des Gens nach Anspruch 1 bis 3 zur selektiven N-Acetylierung der L-Form von racemischem PTC.

Patentansprüche für die folgenden Vertragsstaaten: Österreich und Spanien

55

1. Verfahren zur Gewinnung eines Resistenzgens gegen Phosphinothricin (PTC), dadurch gekennzeichnet, daß man aus der Gesamt-DNA von auf Phosphinothricyl-alanyl-alanin (PTT)-Resistenz selektiertem Streptomyces viridochromogenes DSM 4112 durch Schneiden mit BamHI ein 4,0 kb großes Fragment isoliert, dieses ganz oder ein das Resistenzgen enthaltendes Teilfragment davon kloniert und auf PTT-Resistenz selektiert.

2. Verfahren nach Anspruch 1, dadurch gekennzeichnet, daß man das innerhalb des 4,0 kb großen BamHI-Fragments gelegene, 0,8 kb große BglII-Fragment kloniert.

3. Verwendung des nach Anspruch 1 oder 2 erhältlichen Gens zur Herstellung PTC-resistenter Pflanzen.

5 4. Verwendung des nach Anspruch 1 oder 2 erhältlichen Gens als PTT-Resistenzmarker in Bakterien.

5. Verwendung des nach Anspruch 1 oder 2 erhältlichen Gens als PTC-Resistenzmarker in Pflanzenzellen.

6. Verwendung des nach Anspruch 1 oder 2 erhältlichen Gens zur selektiven N-Acetylierung der L-Form von racemischem PTC.

10

15

20

25

30

35

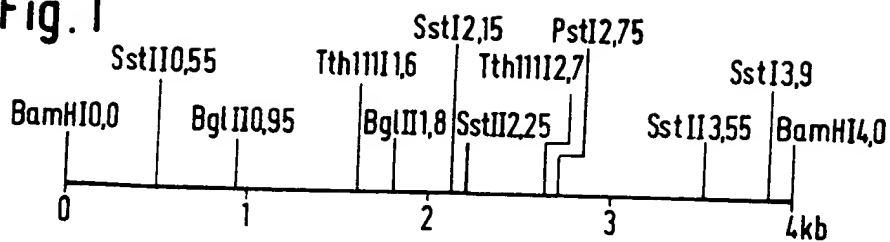
40

45

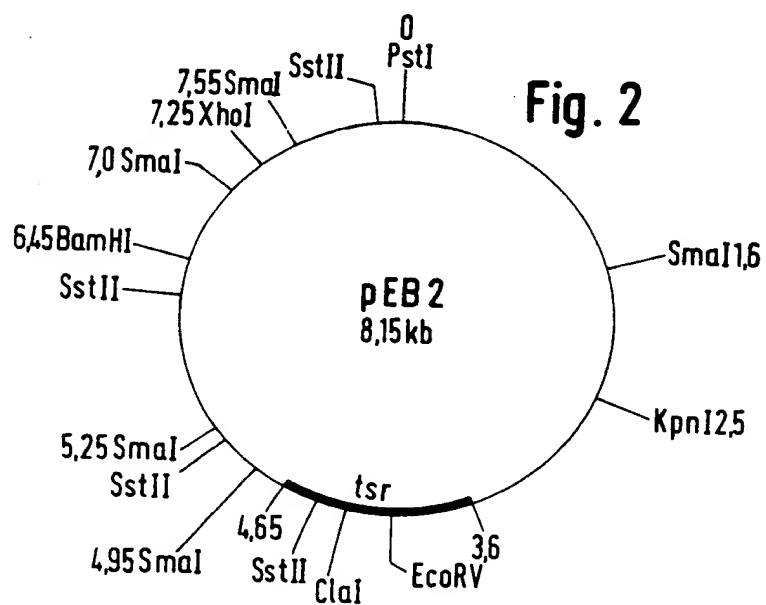
50

55

**Fig. 1**



**Fig. 2**



**Fig. 3**

